

# 中国畜牧兽医学会动物遗传育种学分会

## 关于举办“第十一次全国会员代表大会暨第二十二次全国动物遗传育种学术讨论会”的通知（第一轮）

2023年3月8日

尊敬的各位会员、专家、同行：

根据中国畜牧兽医学会动物遗传育种学分会理事会的决定，中国畜牧兽医学会动物遗传育种学分会第十一次全国会员代表大会暨第二十二次全国动物遗传育种学术讨论会将于2023年8月19-23日在山西太原召开。大会由中国畜牧兽医学会动物遗传育种学分会主办，山西农业大学承办，诚挚邀请各位参加本次会议。

为贯彻落实习近平总书记关于打一场种业翻身仗的重要指示精神，连续3年的中央一号文件对此专门部署，2023年中央一号文件专节提出深入实施种业振兴行动。基因编辑、全基因组选择等生物技术（BT）与大数据、人工智能等现代信息技术（IT）交叉融合，将强力推动精准化、高效化、智能化的种业技术变革，是促进打赢种业翻身仗、种业振兴的关键。本次会议将以中央一号文件精神为指导思想，届时将汇集国内外从事动物遗传育种教学、科研和生产的专家、学者及技术人员，从学术研究、种业创新技术和未来发展战略不同层面，共同研讨动物遗传育种领域科研教学、学科建设、人才培养的最新进展和未来发展，展示当前国内外本领域最前沿的研究进展、成果和方向，为我国畜牧业高质量发展提供科技、人才支撑，并致力为国内外动物遗传育种领域同行打造开放交流平台。本次会议将是国内动物遗传育种领域的一次学术盛会，现将有关事项通知如下：

### 一、会议主题

BT + IT 驱动种业振兴

### 二、会议内容

1. 大会报告：大会邀请国内外知名专家和学者，就数量遗传学、基因组学、群体遗传学、分子遗传学、功能基因组学、生物信息学、系统生物学、生物技术与信息技术智能设计育种等新型交叉学科、畜禽遗传资源保护与利用、畜禽遗传改良与种质自主创新等学科方向的新理论、新方法、新技术、新成果进行专题报告与讨论。

2. 分组报告：组委会根据提交论文情况按畜种和研究领域分组进行报告讨论。

3. 专题讨论：邀请国内知名动物遗传育种专家就目前动物遗传育种的研究热点、课程教学、人才培养、种业企业发展等主题进行研讨。

4. 墙报展示：对动物遗传育种领域最新研究成果、重要学术论文、主要产品及其相关发明专利进行宣传。

5. 产品展览：动物遗传育种、生物技术相关的仪器设备以及种畜禽新产品和新成果展示。

### 三、会议安排

会议时间和地点：

时间：2023年8月19日全天报到，20-22日正式会议，23日离会。

地点：山西潇河国际会议会展中心

地址：山西省太原市小店区潇河大街88号

### 四、注册及费用

参会代表需在会议系统中进行注册，如因技术等原因无法进行网络注册，请与会务组联系。每位参会人员均需在系统中注册，请各位参会代表务必提前注册，以便统计实际参会人员数量，合理安排会务。在线注册时间截止至**7月31日**。会务组将于第二轮通知时公布网站及注册流程。根据注册费到账时间不同，实行分段优惠（见表1）。

**表1 会务费收费标准**

注册类别	6月20日前	6月20日后
普通会议代表	1200	1500
学生会议代表	1000	1300

\* 高级会员按同档位的八折；高级会员按同档位的八折；学生请在注册时提供有效证件，审核通过后方可报名。

注册费请通过银行汇款方式缴纳，转账时请在备注栏中务必注明“姓名、单位及遗传育种会务费”等信息，并同时将转账凭证拍照发至邮箱：

luchang29@126.com，以便核对。联系人：路畅 15600912021

开户名称：山西睿泓鑫文化传播有限公司

账号：14050181610800000321

开户银行：中国建设银行股份有限公司太原桃园北路支行

统一社会信用代码：91140100MA0KLPGE4T

## 五、会议住宿

组委会提前在山西潇河国际会议会展中心酒店预订了房间，普通房间350元/间，高级套房500-600元/间，请成功预订了房间的各位代表尽快完成房费支付。

(详见表2)

表2 山西潇河国际会议会展中心酒店房间信息

宾馆名称	房间价格(元/间)	地点/订房电话
山西潇河新城万达锦华酒店	高级大床房: 350	太原市小店区潇河产业园潇河大街89号 /0351-2908888
	高级双床房: 350	
	豪华套房: 500	
山西潇河新城温德姆至尊酒店	高级大床房: 350	太原市小店区潇河产业园潇河大街89号 /0351-2829999
	高级双床房: 350	
	高级套房: 600	

与会人员可以在网上注册过程中进行房间预订，费用自理。由于会议协议房间数量有限，请各位与会代表及早预订。

## 六、会议征文

欢迎各位专家、学者、学生及同行积极提交论文，请各位作者尽早通过会议网站提交论文摘要。论文征集截止**2023年6月20日**，过期不予受理。论文格式参照**附件1**样本要求。本次会议不出纸质版论文摘要集，将以百度网盘分享的方式发送至各位参会代表。

## 七、口头报告和墙报交流

本次会议提供口头报告、墙报和论文集三种参与交流方式，在注册登记提交论文的同时请注明是否参与墙报交流和口头汇报，根据作者意愿，由学术委员会遴选确定口头报告和墙报展示的名单。墙报规格要求：**90 cm（宽）\*120 cm（高）**，墙报写作要求参照**附件2**要求。论文墙报提交意向在会议注册时明确指定，截止日期为**2023年6月20日**。请各位代表按要求自行打印墙报，于**2023年8月19日20:00**之前带至大会报到处，按给定编号贴挂于会议中心指定位置，并请墙报作者务必按指定时间留在墙报前解答会议代表提问与讨论。

## 八、吴常信动物遗传育种奖励基金

为鼓励我国从事动物遗传育种研究和在生产中做出成绩的中青年科技人员，

“吴常信动物遗传育种奖励基金”在本次大会上继续设立“优秀科技成果奖”、“优秀生产与推广成果奖”、“优秀教学成果奖”和“优秀科研论文/墙报奖”（附件3）。

1. 未获得省部级（含）以上奖励的优秀科技成果2-3项（需有2名具高级职称人员的推荐）；

2. 未获得省部级（含）以上奖励的优秀生产与推广成果2-3项（需有2名具高级职称人员的推荐）；

3. 未获得省部级（含）以上奖励的优秀教学成果奖2-3项（需有2名具高级职称人员的推荐）；

4. 在全国动物遗传育种学术年会上交流、且未公开发表的优秀科研论文20-30篇、墙报20-30篇。

有意申请“优秀科技成果奖”、“优秀生产与推广成果奖”和“优秀教学成果奖”的同行，请填写相关申请表（附件4、附件5、附件6），并于**2023年6月20日**前，将填好的申请表寄到：北京市海淀区圆明园西路2号（100193），中国农业大学动物科技学院，凌遥老师收，电话 010-62731265，邮箱 [lingzi@cau.edu.cn](mailto:lingzi@cau.edu.cn)。

## 九、青年学者旅行奖

为鼓励在读研究生踊跃参与学会会议，大会将设立“青年学者旅行奖”，候选人为全日制在读研究生（硕士研究生和博士研究生，不含博士后）。产生办法通过申请人提前申请（申请表见附件7，于**2023年6月20日**之前发送至邮箱 [cjsun@cau.edu.cn](mailto:cjsun@cau.edu.cn)）和专家评审的方式确定。大会将宣布获奖人员名单，为获奖者提供往返交通费用补助、免缴会议注册费，并颁发荣誉证书。

## 十、交通指南

本次会议安排接驳车服务。

其中，**8月19日**接站安排如下：

站点1：太原武宿国际机场：可接驳抵达武宿机场的参会嘉宾；

站点2：太原南站（高铁站）：可接驳乘高铁抵达太原南站的参会嘉宾，建议从西到达口出站；

站点3：太原站：可接驳抵达太原站的参会嘉宾。

**8月23日**安排返程接驳车。

## 十一、会议联系

### 1. 会议 QQ 群

群名称：2023全国动物遗传育种会议群

群号码：785679827（入群请标注单位、姓名）

### 2. 有关会议注册事宜

联系人：马建芳 电话 13835436578

### 3. 有关申请吴常信动物遗传育种奖励基金事宜

联系人：凌遥老师 电话 13520298697

### 4. 有关“青年学者旅行奖”评选事宜

联系人：孙从佼 老师 电话 15910707895

周 磊 老师 电话 18810408850

### 5. 有关会议赞助事宜

联系人：张 凯 电话 18135447928

### 6. 大会秘书处

联系人：刘剑锋 电话 13718077060

孙东晓 电话 15810019668

主办单位：中国畜牧兽医学会动物遗传育种学分会

承办单位：山西农业大学

2023年3月8日



## 附件 1：第二十二次全国动物遗传育种学术讨论会征文通知

### 第二十二次全国动物遗传育种学术讨论会征文通知

根据中国畜牧兽医学会动物遗传育种学分会理事会精神，本次会议主要收集研究论文摘要，且不公开出版，其目的是让各位研究者提供最新研究成果供会议交流而不影响在专业杂志上发表。现将有关事项通知如下：

#### 一、征文范围

动物（家养动物、水生动物、特种经济动物、实验动物）遗传育种领域的最新研究进展的研究报告、经验交流、研究简报等，包括：

1. 动物基因组组装及群体遗传研究
2. 动物遗传资源的评价、保护与利用
3. 动物重要经济性状的遗传机制解析
4. 动物起源、进化及遗传多样性
5. 动物育种理论与方法
6. 基因克隆、基因功能、基因编辑
7. 动物育种实践
8. 动物遗传育种学相关课程的教学方法
9. 其他

#### 二、征文要求

1. 本次征文必须是未曾在国内外公开发表过的学术论文（被其他学术会议录用但未正式出版的仍可提交，但应注明被哪个会议录用）。

2. 本次征文以研究报告为主，除特约稿外，一般不接受综述性文章。

3. 本次会议除特约稿外，只征集论文摘要。每篇论文摘要字数不超过 1500 字（含题目、作者、作者单位、地址和邮编、引言、材料与方法、结果、讨论等），论文编排要求及模板见附件，每篇摘要限 2 个表格和 1 张插图，可接受全英文摘要。

论文撰写符合国际和国内撰写科技学术论文的通用惯例，提交前请反复校对，避免错别字、错误标点符号，精心修饰，做到准确无误。

4. 大会组委会原则上不对录用的论文进行修改，文责自负。

5. 如果有照片，请提供清晰的扫描照片，或寄送标注明确、清晰的照片。

6. 应征论文概不退还，请自留底稿。

### 三、征文期限与提交方式

论文征集截至时间至**2023年6月20日**，过期不予受理。会务组将于第二轮通知公布提交方式，请各位作者等候通知。

### 四、征文评审、出版及评优

会议征集的学术论文经有关专家严格评审，根据专家意见优胜劣汰，以百度网盘分享的方式发送至各位参会代表，不公开出版。

优秀论文评选：由全国动物遗传育种学分会学术部评选会议优秀论文，优秀论文占论文总数的5%~7%，给入选优秀论文的作者发荣誉证书。

诚挚邀请各位同仁参会，踊跃投稿！

主办单位：中国畜牧兽医学会动物遗传育种学分会

承办单位：山西农业大学



## 附：论文摘要格式要求和模板

### 一、计算机输入要求

MS Word 2003及以上版本或兼容的软件。

### 二、纸张要求

A4纸（页面设置请用WORD默认，上下2.54厘米，左右3.18厘米）。

### 三、排版要求

单倍行距，中文字体为宋体五号字，英文字体为 Times New Roman 10.5 pt，篇幅限于1页。

### 四、格式要求

摘要包括题目、作者、地址、摘要正文。正文内容应包括如下小标题：引言、材料方法、结果、讨论等。小标题用黑体，单独一行。

### 五、论文摘要模板



# 鸡 UCP3 基因多态性及其与饲料转化效率的关联分析

金四华<sup>1</sup>, 陈思睿<sup>1</sup>, 张德祥<sup>2</sup>, 季从亮<sup>2</sup>, 杨宁<sup>1\*</sup>

(1. 中国农业大学动物科技学院, 北京 100193;

2. 广东温氏南方家禽育种公司, 广东新兴 527439)

## 引言

饲料转化效率和生长速度受到机体能量平衡调节能力和脂肪代谢等的影响, 解偶联蛋白基因 3(uncoupling protein 3, UCP3)能够增加机体能量的消耗, 在机体能量平衡及脂类代谢的过程中具有重要作用, 它能调节骨骼肌葡萄糖和线粒体脂肪转运, 提供非颤抖生热作用。因此, 本研究以 UCP3 基因作为候选基因, 研究 UCP3 基因的多态性及其与饲料转化效率的关联性, 为黄羽肉鸡的标记辅助育种提供参考依据。

## 材料与方 法

以广东温氏南方家禽育种公司提供的两个品系(N301 和 N202)796 只黄羽肉种公鸡为试验材料, 其中 N301 品系 486 只, N202 品系 310 只。按照广东温氏育种公司肉种鸡的饲养标准进行饲养管理。42 天时, 将试验鸡转至个体笼进行饲喂, 测定 49 天、70 天体重, 以及 49-70 天的采食量, 计算得到这期间的体增重和饲料转化效率。采集血样使用常规方法提取基因组 DNA, 采用基质辅助激光解析电离飞行时间质谱法(MALDI-TOF MS)进行 SNPs 分型, 利用 Haploview 和 Simwalk2 软件推测单倍型。建立统计分析模型,  $Y_{ij} = \mu + S_i + G_j + e_{ij}$ , 其中  $Y_{ij}$  为个体表型观测值;  $\mu$  为群体均值;  $S_i$  为品系效应;  $G_j$  为 SNP 效应或单倍型效应;  $e_{ij}$  为随机残差效应, 采用 SAS 9.2 进行分析。

## 结果

本研究根据 SNP 数据库(<http://genome.ucsc.edu/cgi-bin/hgGateway>)选取 UCP3 基因的 4 个 SNPs 位点(rs13997809、rs13997810、rs13997811、rs13997812)进行分型, 通过分型检出率、最小等位基因频率、Hardy-Weinberg 平衡检验分析, 剔除位点 rs13997810。剩余 3 个 SNPs 位点与生长和饲料转化率性状进行关联分析, 结果表明 UCP3 基因位点 rs13997809 与饲料转化效率和采食量显著相关( $P < 0.05$ )位点 rs13997811 与 70 天体重和平均日增重显著关联( $P < 0.05$ ); 位点 rs13997812 与 70 天体重和采食量显著相关( $P < 0.05$ )。单倍型关联分析结果表明, UCP3 基因剩余 3 个 SNPs 组合形成的单倍型与 70 天体重、饲料转化效率、采食量显著相关( $P < 0.05$ )。

## 讨论与结论

在肉鸡生产中, 饲料成本大约占生产总成本的 70%左右, 因此, 提高饲料转化效率, 降低生产成本是生产者和研究者共同的追求目标。利用候选基因法分离和鉴定与饲料转化效率显著关联的候选分子标记是提高家禽饲料利用效率的有效手段之一。

UCP3 是调控能量代谢的重要候选基因, 主要分布于线粒体内膜, 能够将氧化呼吸产生的能量以热量的方式散发, 对机体的能量代谢、脂肪代谢和饲料转化效率等具有显著影响。陈翠等研究报道中国西门塔尔牛 UCP3-Bgl I 酶切位点多态性与饲料转化效率和平均日增重性状显著相关, 且 AA 基因型料肉比较低、日增重较高。Sherman 等报道肉牛 UCP3 基因内含子 3 的 A/G 突变与平均日增重和饲料转化效率显著相关。目前, 关于黄羽肉鸡 UCP3 基因多态性与饲料转化效率的关联性分析在国内外比较少见, 本研究为黄羽肉鸡饲料转化效率性状的标记辅助选择奠定了理论基础, 下一步将更深入地探讨该基因的功能, 以使之运用于实际的育种工作之中。

**关键词:** 鸡; UCP3 基因; 饲料转化效率; SNPs; 关联分析

# Mapping quantitative trait loci for cell-mediated immunity in the pig

Xin LU<sup>1</sup>, Yuan-Fang GONG<sup>1,2</sup>, Qin ZHANG<sup>1</sup>

<sup>1</sup>Key Laboratory Animal Genetics and Breeding of the Ministry of Agricultural, State Key Laboratory of Agrobiotechnology, College of Animal Science and Technology, China Agricultural University, Beijing 100193, China; <sup>2</sup>Department of Animal Science, Hebei Normal University of Science and Technology, Chang li, Hebei 066600, China

**Keywords:** cell-mediated immune traits; quantitative trait loci; swine

## Introduction

Genetic improvement of general immune capacity is an effective way to increase disease resistance and enhance the welfare and productivity of farm animals. Cell-mediated immune traits are essential diagnostic parameters in veterinary practice. Differences in cell-mediated immune traits among individuals provide an evidence of genetic control, but little is known about the genetics underlying these traits, especially in swine. Identification of these variants may be beneficial for the genetic improvement through selection.

## Materials and method

The experiment population consisted of seven Large White sire families, five Landrace sire families and four Songhei sire families. In total, 446 pigs were included. At 21 days of age, all piglets were vaccinated with modified live CSF vaccine. Blood samples were sampled when the piglets were 20 and 35 days of age, respectively. The proportions of CD4+CD8+, CD4+CD8-, CD4-CD8+, and CD4-CD8- in T cells and IFN- $\gamma$  and IL-10 concentrations in serum were measured. 206 microsatellites distributed over all the 18 autosomes and the X chromosome were selected from NCBL A QTL interval mapping analysis was performed using the program MQreml. The likelihood ratio (LR) was calculated as test statistic for each particular location on the chromosome. To control the type I error, the false discovery rate (FDR) control approach was used.

## Results and discussion

62 QTLs with P value < 0.05 were identified on all the autosomes and the X chromosome. Of these QTLs, 47 (4 for the percentage of CD4+CD8- T cells, 3 for the percentage of CD4+CD8+ T cells, 2 for the percentage of CD4-CD8- T cells, 2 for the percentage of CD4-CD8+ T cells, 7 for the ratio of CD4+ to CD8+ T cells, 16 for IFN- $\gamma$  concentration, 1 for IL-10 concentration and 12 for the ratio of IFN- $\gamma$  to IL-10 concentration) were detected with FDR-value < 0.05, of which 26 QTLs were with FDR-value < 0.01. Some QTLs controlling variations in levels of T and B lymphocyte subpopulations have been mapped in human before. Corresponded to human chromosomes via RH map, we found several QTLs are in the corresponding regions of human chromosomes. A number of positional candidate genes (eg, MUC1, IL6R, NFKBIA, MUC20, TLR3, TH1L, CD ID, TGFBR1, VNN1, IL17, and F5) were found in these regions. All of these genes are health-related and have direct or indirect relationships with the traits in our research. Some of these candidate genes have been investigated in swine already. Some of these QTLs were found to be associated with more than one trait., suggesting that these QTLs have pleiotropic effects. Further studies are needed for identifying the significant positional candidate genes.

## Acknowledgements

This study was supported by the National Key Basic Research Program (Grant N0.2006CB 102104).

## 附件 2：第二十二次全国动物遗传育种学术讨论会墙报制作说明

### 第二十二次全国动物遗传育种学术讨论会墙报制作说明

#### 一、内容说明

墙报内容包括摘要，正文和主要参考文献三大部分，其中正文一般分3个小节：引言，研究内容及结果，结论及展望。

1. 摘要：简明扼要，字数一般控制在 250 ~ 500 字。

2. 正文：引言部分对研究意义及背景进行简要介绍，研究内容及结果扼要介绍论文中的实验、方法、理论、数据及结果。关键信息以图表顺序列出。

3. 主要参考文献：采用以下简要格式列出主要参考文献，格式为：作者，论文名称，期刊名，发表时间，期卷页码。

Legnini I, Di Timoteo G, Rossi F, et al. Circ-ZNF609 is a circular RNA that can be translated and functions in Myogenesis. Mol Cell, 2017, 66(1):22-37.

于金成等，鹅伴性羽色性状的遗传分析。中国农业科学，2019，5:949-954.

4. 其他要求：墙报中除与文章有关的内容作者可以按规范制作外，不得有其他与本会议无关图标文字，否则后果自负。

5. 提交日期：论文墙报提交意向在会议注册时明确指定，报名截至日期为 6 月 20 日。被遴选上墙报的参会代表请于 2023 年 8 月 19 日 20:00 之前将制作好的墙报带到大会报到处，按给定编号贴挂于会议中心指定位置。

#### 二、尺寸说明

墙报成品尺寸为 90 cm（横向宽度）\* 120 cm（竖向高度）。

主办单位：中国畜牧兽医学会动物遗传育种学分会

承办单位：山西农业大学

2023年3月8日



### 附件3：吴常信动物遗传育种奖励基金奖励办法

## 吴常信动物遗传育种奖励基金奖励办法

### 一、宗旨

为鼓励我国从事动物遗传育种研究、教学和在生产中做出成绩的中青年科技人员（年龄一般在55周岁以下），特设立此项冠名奖励基金。

### 二、基金经费来源和管理

1. 来源：国内外个人和企业捐赠。

2. 管理：捐款汇入中国农业大学教育基金会指定的账户，并由中国农业大学教育基金会进行财务管理，以其存款利息作为奖金及评审费用（包括专家劳务费、获奖证书和宣传资料印制费等）。

### 三、奖励内容

1. 成果奖：未获得过省部级（含）以上奖励的科学研究、生产推广、教育教学方面的优秀成果（包括个人和团队）。

2. 优秀论文/墙报奖。

### 四、奖项及奖金

每届根据申报和评审情况以及可支配奖金金额确定奖项和奖金。

1. 成果奖分科技成果奖、生产与推广成果奖和教育教学成果奖三种，每届各评选2-3项，会前评审，会议开幕式（或闭幕式）上颁奖。

2. 优秀论文奖和墙报奖，根据参会人数和评议结果，每届各评选20-30项，会上评审，会议闭幕式上颁奖。欢迎海外留学人员参会申报，如本人不能参会，可委托他人做墙报展示。

3. 奖金发给获奖者本人，如果成果由一人以上完成，奖金由第1完成人负责分配。

### 五、评奖

中国畜牧兽医学会动物遗传育种学分会负责评奖工作，由分会理事长任评奖委员会主任，秘书长为副主任，负责评奖具体事务。在每两年一次的全国动物遗传育种学术讨论会前和会议期间，组织评奖委员会对申报成果和论文/墙报进行评审并颁奖。

## 六、申报

申报方式：申报者填写相应的申请表，需由两名具高级职称人员的推荐。

申报时间：申请材料电子版和纸质版请于 **2023 年 6 月 20 日** 提交到：[lingzi@cau.edu.cn](mailto:lingzi@cau.edu.cn)。北京海淀区圆明园西路2号，中国农业大学动物科技学院 凌老师 13520298697。

其他未尽事宜由中国畜牧兽医学会动物遗传育种学分会提出修改、补充。

中国畜牧兽医学会动物遗传育种学分会

2023年3月8日



## 附件 4：吴常信动物遗传育种“科技成果奖”申请表

## 吴常信动物遗传育种“科技成果奖”申请表

姓 名		性别		民族		出生年月	
工作单位					电 话		
E-mail					手 机		
职务/职称		最后学历/学位			签 名		
成果名称							
其他完成人员（一般不超过 5 人）							
姓 名	工作单位			电话/手机		签 名	
推荐人 1	姓名		工作单位				
	职称/职务		手机				
	电 话		E-mail				
推荐意见：							
签名： 年 月 日							
推荐人 2	姓名		工作单位				
	职称/职务		手机				
	电 话		E-mail				

推荐意见:

签名:

年 月 日

成果简介（1000-1500字）

注: (1) 随表可附以下相关证明材料: 论文论著 (首页、封面复印件)、专利 (复印件);

(2) 申报材料请寄: [lingzi@cau.edu.cn](mailto:lingzi@cau.edu.cn)。北京海淀区圆明园西路2号, 中国农业大学动物科技学院 凌老师 13520298697。





推荐意见:

签名:

年 月 日

成果简介（1000-1500字）

注：（1）随表可附以下相关证明材料：推广成果、专利（复印件）、论文论著（首页、封面复印件）；

（2）申报材料请寄：[lingzi@cau.edu.cn](mailto:lingzi@cau.edu.cn)。

北京海淀区圆明园西路2号，中国农业大学动物科技学院 凌老师 13520298697

附件 6：吴常信动物遗传育种“教学成果奖”申请表

吴常信动物遗传育种“教学成果奖”申请表

姓 名		性别		民族		出生年月	
工作单位					电 话		
E-mail					手 机		
职务/职称		最后学历/学位			签 名		
成果名称							
其他完成人员（一般不超过 5 人）							
姓 名	工 作 单 位			电 话 / 手 机			签 名
推荐人 1	姓 名		工 作 单 位				
	职 称 / 职 务		手 机				
	电 话		E-mail				
推荐意见：							
签名： 年 月 日							
推荐人 2	姓 名		工 作 单 位				
	职 称 / 职 务		手 机				
	电 话		E-mail				

推荐意见：

签名：

年 月 日

成果简介（1000-1500字）

注：（1）随表可附以下相关证明材料：教学成果（复印件）、教材、教学论文（首页复印件）；

（2）申报材料请寄：[lingzi@cau.edu.cn](mailto:lingzi@cau.edu.cn)。

北京海淀区圆明园西路2号，中国农业大学动物科技学院 凌老师 13520298697。

附件 7：“青年学者旅行奖”申请表

“青年学者旅行奖”申请表

姓名		出生年月		民族		(粘贴照片)
性别		籍贯		在读学位	硕士/博士	
学校			专业			
导师姓名			手机			
电子邮箱			通讯地址			
个人简介及 申请理由	<p style="text-align: right;">本人签名： 年 月 日</p>					
导师推荐 意见	<p style="text-align: right;">导师签名： 年 月 日</p>					